

Alessandra Maria Mezzelani, PhD in Biotecnologie applicate alle scienze veterinarie

- Google Scholar H-Index: 29
http://scholar.google.it/citations?hl=it&user=NHvrOuYAAAAJ&view_op=list_works
- Scopus H-Index: 23 [6701756790](https://scopus.com/authorid/6701756790)
- ISI-WoS H-Index: 23 [B-3355-2014](https://www.isinet.com/author/3355-2014)
- Abilitata a primo ricercatore per l'area "Genetica" (2021)

Posizione attuale (dal 2005):

- Ricercatrice presso il Consiglio Nazionale delle Ricerche, Istituto di Tecnologie Biomediche (CNR-ITB) <http://www.itb.cnr.it/home>

Posizioni precedenti:

- 2004-2005: contratto post doc Università degli studi di Milano
- 2001-2003: ricercatrice a T.D. presso il Consiglio Nazionale delle Ricerche, Istituto di Tecnologie Biomediche (CNR-ITB)
- 1995-2001: Ricercatrice associato presso l'Istituto Nazionale dei Tumori, Milano.
- 1992-1995: dottoranda dell'Università degli Studi di Milano, presso il Politecnico Federale di Zurigo (ETH-ZH) e presso il CNR- Istituto di Biologia e Biotecnologie Agrarie (IBBA), Milano
- 1989-1992: borsista CNR presso CNR-IBBA, Milano

Interessi e attività di ricerca

- Studio, mediante tecnologie omiche, dell'interazione gene-ambiente nell'insorgenza dell'autismo.
- È responsabile dell'Unità Single cell analysis (SCA) del suo Istituto e sta applicando la tecnologia allo studio di organoidi ottenuti da carcinoma della mammella e a cellule endoteliali infettate con virus Sars-Cov2.
- Rappresenta il CNR-ITB alla EU LifeTime Initiative per migliorare l'assistenza sanitaria europea attraverso la medicina intercettiva cellulare. <https://lifetime-initiative.eu/>
- È responsabile del Translational Bioinformatics Lab. per produrre dati "omici" o per convalidare risultati e previsioni bioinformatiche.
- Ha grande esperienza nell'utilizzo delle tecniche e tecnologie di biologia molecolare (RT-PCR, digital PCR, microarrays, preparazione di librerie Illumina) e citogenetiche.
- Collabora con la Facoltà di Medicina Veterinaria dell'Università degli Studi di Milano per lo studio di malattie comuni al gatto e all'uomo.
- Collabora col Policlinico di Milano per lo studio della trascrittomica nella Non-alcoholic Fatty Liver Disease (NAFLD)
- È inoltre coinvolta negli studi e nelle attività del CNR in materia di comunicazione e accessibilità www.accessibility.cnr.it

Progetti attivi:

- Coordina il CNR come partner del progetto europeo H2020 GEMMA (Genome, Environment, Microbiome and Metabolome in Autism), grant agreement No 825033, di cui è anche leader del WP di comunicazione. Il progetto è quinquennale (2019-2023) ed è stato finanziato complessivamente con 14.2M di Euro. www.gemma-project.eu

Progetti conclusi:

- PI del progetto Single cell analysis (sotto progetto Interomics Flagship) per la scelta di una piattaforma di analisi single cell, l'allestimento di un laboratorio dedicato e l'analisi di modelli cellulari oncologici e di infezione virale (2017-18)
- PI del progetto OTANEXT-AUT (sotto progetto Interomics Flagship) per lo studio degli effetti epigenetici sex-linked dell'ocratossina A su linee cellulari neuro ottenute da individui di sesso maschile e femminile (2017)
- Responsabile dell'Unità di genotyping del progetto GR-09 1570296 del Ministro della salute, per studiare il ruolo delle micotossine nell'insorgenza dell'autismo da una prospettiva di interazione gene-ambiente (2011-2014)
- Incarico di realizzazione nel progetto PON VIRTUALAB per lo sviluppo di un sistema diagnostico oncologico automatizzato (2011-2014)
- Partecipante a progetti AIRC dal titolo "Biomarcatori citogenetici e molecolari dei sarcomi" per la ricerca di biomarcatori noti e nuovi nei sarcomi dei tessuti molli (1995-2001)
- Per quanto riguarda la genetica agraria, ha partecipato ai progetti europei DNA-Track per la tracciabilità degli organismi geneticamente modificati in matrici alimentari(2001-2003) e BovMap per il mappaggio del genoma bovino (1992-1995)

Publicazioni:

- Orcid: [0000-0001-7563-5869](https://orcid.org/0000-0001-7563-5869)